Η εφαρμογή εκτελεί αναλύσεις 2 επιπέδων :  
1. **Treatment level μοντέλο** (κλασσικό NMA)

2. **Component level μοντέλο** (CNMA: Additive & Interaction)

**Treatment level μοντέλο:**

* **Εφαρμόζονται κλασσικές μέθοδοι ελέγχου inconsistency:**

Node-splitting

Design-by-treatment

Netheat plot

* **Funnel Plot**
* **Network plot**

Με **igraph**, που είναι και **ο τρόπος να ελέγχω αν το δίκτυο είναι connected ή disconnected.**

**Component-level Network Meta-Analysis (CNMA):**

* **Discomb:** Όταν το δίκτυο είναι disconnected επιτρέποντας μόνο additive model.
* **Netcomb:** όταν το δίκτυο είναι connected αλλά έχει κριθεί ότι πρέπει να χρησιμοποιήσουμε Additive model.
* **Netcomb+ createC:** για CNMA με interaction, όπως γίνεται στο παράδειγμα του pfg για την netmeta, July 2025 με τίτλο **Network Meta-Analysis using Frequentist Methods**
* **Forest plot**

**Node Merging (και στα δύο επίπεδα):** Και μάλιστα έχω βάλει έλεγχο για να μην πέφτουμε σε self-loops. Το μοντέλο κάνει merge χρησιμοποιώντας τα raw data

Το μοντέλο είναι fully interactive και μπορώ να ρυθμίσω αν θέλω **fixed effect** or **random effects** η να επιλέξω model με interaction ή additive, δηλαδή δεν τα βγάζει όλα αυτόματα.

Υπάρχει tab με όνομα **exports** που μπορείς να κάνεις αυτόματα generate report και να τα αποθηκεύσεις **pdf**, **html**, **word**. Επίσης έχω βάλει **ιστορικό** κάθε φορά που κάνει generate. Η αυτοματοποίηση του report γίνεται με νέο script σε Rmd που έχω template έτοιμο και το κάνει εκεί. Σημείωση: Δουλεύει μόνο για excel ακόμα το φτιάχνω.

Το ranking θα το βγάλω τελείως γιατί δεν χρειάζεται αφού έχω το **ihr** στο summary (**Incremental effect for components**)

Παίρνει την βάση δεδομένων και την κάνει **αυτόματα pairwise.** Καιδίνει μία μικρή περίληψη των data.

**Προβλήματα:**

1. **Δεν δουλεύει το node-splitting (local inconsistency)**

[Παρόλο που δουλεύουν τα global, netheat]

1. **Έβγαλα το κομμάτι που μοντελοποιεί CNMA interactions δεν ξέρω αν είναι σωστό**
2. **Δεν έχω ολοκληρώσει το exports, όταν βγαίνει pdf καταρρέει.**
3. **Το μόνο που δεν είναι fully interactive είναι ότι πρέπει να βάζω μόνος τα components στο:**

comps <- c("Acal","BR","FCR","I","Ibr","O","R","Ven","Zanubrutinib")